

# Universelle Adapter-Oligonukleotide zur Amplifikation unbekannter Nukleinsäuresequenzen

## HINTERGRUND

In der Polymerasekettenreaktion (PCR) werden zur Vervielfältigung unbekannter DNA-Sequenzen zuvor Adapter-Oligonukleotide ligiert. Diese müssen einfach zu handhaben sein und zu zwei unterschiedlichen Sequenzen an den jeweiligen DNA-Sequenz-Enden führen. Derzeit verfügbare Methoden benötigen sehr aufwendige Synthesen, die zu sehr großen, für die Ligation ungünstigen Adapter-Molekülen führen (Y-förmig, hairpin loops, auch mit Modifikationen zur Spaltung).

## TECHNOLOGIE

Das vorgeschlagene Prozedere verwendet ein kürzeres, doppelsträngiges Adapter-Oligonukleotid, welches nach einer Ligation an die unbekannt DNA-Sequenz zu asymmetrischen Enden mit spezifischer Erkennung für zwei unterschiedliche Primer führt. Das universell einsetzbare Adapter-Oligonukleotid wird hierbei durch Einbau von universellen Basen (z.B. Inosin) mit der Paarungsmöglichkeit zu verschiedenen Basen, von Wobble-Paaren und von Nukleotiden ohne Basen (abasic site) erreicht.

## VORTEILE

- ✓ Kostengünstige und effiziente Adapter-Synthese
- ✓ Verbesserte Ligationseffizienz
- ✓ Keine zusätzlichen Schritte nach der Ligation nötig

## ANWENDUNG

Amplifikation von unbekannt DNA-Sequenzen mittels PCR für Analysen in Grundlagenforschung, Diagnostik, Therapie und Forensik

## STATUS

Machbarkeit im Labor gezeigt:  
DNA-Amplifikation mit Effizienzsteigerung um eine Größenordnung

Patent:  
EP3510170B1  
Patentanmeldungen:  
US2019249239 (12.09.2017, anhängig)  
CN110382709 (12.09.2017, anhängig)



### Kontaktperson

Dr. Carsten Hille  
Transferscout Life Sciences  
Tel.: +49 3375 508 793  
[lifesciences@innohub13.de](mailto:lifesciences@innohub13.de)  
[www.innohub13.de](http://www.innohub13.de)

### Fachkontakt

Prof. Marcus Frohme  
Arbeitsgruppenleiter  
Tel.: +49 3375 508 249  
[marcus.frohme@th-wildau.de](mailto:marcus.frohme@th-wildau.de)  
[www.th-wildau.de/molekularbiologie](http://www.th-wildau.de/molekularbiologie)